



基于 COI 基因序列的太湖新银鱼遗传多样性

[全文PDF下载](#)

张迪^{1,2}, 雷光春¹, 龚成³, 王忠锁²

(1 : 北京林业大学自然保护区学院, 北京 100083)

(2 : 首都师范大学生命科学学院, 北京 100048)

(3 : 天鹅洲白暨豚国家级自然保护区, 石首 434400)

摘要: 利用线粒体细胞色素 C 氧化酶 I (COI) 分子标记分析长江中下游太湖新银鱼 (*Neosalanx taihuensis*) 8 个地理种群 132 个样本的遗传多样性. 该基因 630bp 片段的碱基序列共检出 8 个核苷酸变异位点 (变异率 1.27%), 其中局域性单倍型居多 (75%), 群体单倍型多样性较高 ($h = 0.576 \pm 0.036$), 而核苷酸多样性较低 ($\pi = 0.00112 \pm 0.00204$). 不同地理种群遗传多样性差异显著: 有人工移植历史种群遗传多样性较高、隔离度较高的种群遗传多样性较低, 但大部分的遗传变异来自于种群内 (54.83%), 反映出地理隔离和人为干扰对太湖新银鱼遗传格局影响显著. 研究表明 COI 基因适于银鱼科鱼类物种鉴别和系统发育研究, 同时可为同种种群间遗传关系分析提供一定的信息.

关键词: 太湖新银鱼; 长江; 线粒体 COI ; 遗传多样性; 生命条码

[最新动态](#)

[各期目录](#)

[投稿指南](#)

[分类下载](#)

[论文检索](#)

[有问必答](#)

[相关链接](#)

中国科学院南京地理与湖泊研究所

[中国海洋湖沼学会](#)

[万方数据](#)

[中国期刊网](#)

[重庆维普](#)