



湖南省猾迭宫绦虫的线粒体cox1和nad1基因的序列测定及种系发育分析

<http://www.firstlight.cn> 2009-11-16

本研究旨在阐明猾迭宫绦虫湖南分离株线粒体细胞色素c氧化酶第I亚基（cox1）基因部分序列（pcox1）和烟酰胺腺嘌呤二核苷酸（NADH）脱氢酶亚单位I基因（nad1）部分序列（pnad1）的遗传变异情况，并用pcox1和pnad1序列重构猾迭宫绦虫与其它绦虫的种群遗传关系。利用聚合酶链反应（PCR）扩增猾迭宫绦虫的pcox1和pnad1，应用ClustalX 1.81程序对序列进行比对，再用Phylip3.67程序MP法和Mage4.0程序NJ法绘制种系发育树，并用Puzzle5.2程序构建最大似然树，同时利用DNASar5.0中的Megalalign程序进行同源性分析。结果显示所获得各样品株的pcox1和pnad1序列长度一致，分别为396和566 bp，湖南分离株与已知猾迭宫绦虫位于同一分枝。由于猾迭宫绦虫pcox1和pnad1序列种内相对保守，种间差异较大，故均可作为种间遗传变异研究的标记，从而为猾迭宫绦虫的种群遗传学研究和其相关疾病的诊断奠定基础。

[存档文本](#)