

专论与综述

## 分离分析技术在蛋白质组学研究中应用的新进展

张养军<sup>1</sup>, 张万军<sup>1</sup>, 马岩<sup>2</sup>, 彭博<sup>1</sup>, 钱小红<sup>1\*</sup>

1.蛋白质组学国家重点实验室, 军事医学科学院放射与辐射医学研究所, 北京蛋白质组研究中心, 北京 102206; 2.北京工业大学, 北京 100022

收稿日期 2009-9-1 修回日期 2009-9-4 网络版发布日期 2009-10-10 接受日期 2009-9-7

**摘要** 蛋白质组学的核心技术之一是分离分析方法。该综述重点评述了分离分析技术在蛋白质组学研究, 即在蛋白质组表达谱构建、翻译后修饰蛋白质组研究、蛋白质复合体和相互作用研究、蛋白质组定量研究中应用的新进展, 介绍了各种分离分析方法的优点、应用范围和有待解决的问题。引用文献89篇。

**关键词** [蛋白质组学](#) [分离技术](#) [质谱](#) [定量技术](#) [蛋白质相互作用](#)

## Advances of separation and analytical techniques in proteomic studies

ZHANG Yangjun<sup>1</sup>, ZHANG Wanjuan<sup>1</sup>, MA Yan<sup>2</sup>, PENG Bo<sup>1</sup>, QIAN Xiaohong<sup>1\*</sup>

1.State Key Laboratory of Proteomics, Beijing Institute of Radiation Medicine, Beijing Proteome Research Center, Beijing 102206, China; 2.Beijing University of Technology, Beijing 100022, China

### Abstract

The separation and analytical technique is one of the core technologies in proteomic studies. The advances in the applications of separation and analytical techniques in proteomic studies on protein expression profiling, protein modification profiling, protein complex and interaction network as well as proteome quantitation are reviewed, and 89 references are cited.

**Key words** [proteomics](#) [separation technique](#) [mass spectrometry](#) [quantitation](#) [protein-protein interaction](#)

DOI:

通讯作者 钱小红 [qianxh1@yahoo.com.cn](mailto:qianxh1@yahoo.com.cn).

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(436KB\)](#)
- ▶ [HTML全文\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“蛋白质组学”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [张养军](#)
- [张万军](#)
- [马岩](#)
- [彭博](#)
- [钱小红](#)