

特邀综述

蛋白质溶液结构及动力学的核磁共振研究

胡蕴菲¹, 金长文^{1,2*}

(1.北京大学, 北京核磁共振中心, 北京 100871; 2.中国科学院 强磁场科学中心, 安徽 合肥 230031)

收稿日期 2009-2-18 修回日期 2009-2-27 网络版发布日期 2009-6-5 接受日期

摘要 高场液相核磁共振技术作为解析高分辨率蛋白质结构的两大主要手段之一, 在近二十几年的时间里得到了迅猛的发展. 一方面, 随着谱仪硬件技术、核磁脉冲技术和蛋白质标记技术的不断发展, 液相核磁共振技术所能研究的蛋白质不断突破分子量的限制, 可以达到几万, 甚至几十万. 另一方面, 液相核磁共振技术成功地应用于蛋白质分子动力学的研究中, 是目前唯一能够对蛋白质多个位点同时进行动力学研究的实验方法, 并且仍在不断地创新、发展和完善中. 本文从蛋白质溶液结构的解析和动力学的研究两个主要方面对液相核磁共振研究的基本方法进行简要的介绍, 并结合实例介绍一些最新的研究进展.

关键词 [核磁共振 \(NMR\)](#); [蛋白质结构](#); [动力学](#)

分类号 [O482.53](#) [Q518.2](#)

DOI:

通讯作者:

金长文 changwen@pku.edu.cn

作者个人主页: [胡蕴菲¹](#); [金长文^{1;2*}](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(696KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献 \[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“核磁共振 \(NMR\); 蛋白质结构; 动力学” 的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)
- ▶ [胡蕴菲; 金长文](#)