

研究论文

蛋白质支链动力学快运动的核磁共振研究

程鹏, 周志明, 李钊, 刘买利, 张许

波谱与原子分子物理国家重点实验室(中国科学院 武汉物理与数学研究所), 湖北 武汉 430071

收稿日期 2007-5-23 修回日期 2007-11-29 网络版发布日期 接受日期

摘要 蛋白质的功能不仅取决于其结构, 而且受到其构像及其变化的影响. 许多生物化学过程就是由于蛋白质结构的一些动力学变化而完成, 如蛋白质-蛋白质, 蛋白质-药物配体之间的相互作用. 因此分析蛋白质的动力学变化, 就能够对其参与的生化过程进行分析. 作为动力学研究的有力工具之一, 核磁共振能够分辨到原子范围内的从千秒到皮秒时间范围的运动过程, 因此在动力学研究中有着不可替代的作用. 本文仅就核磁共振在蛋白质支链快运动方法(ps-ns)研究方面的进展进行总结, 以期阐明核磁共振的在支链动力学研究中的发展现状.

关键词 [核磁共振](#); [蛋白质](#); [支链](#); [动力学](#); [弛豫](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

张许 zhangxu@wipm.ac.cn

作者个人主页: 程鹏; 周志明; 李钊; 刘买利; 张许

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF](#) (520KB)
- ▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“核磁共振; 蛋白质; 支链; 动力学; 弛豫”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [程鹏](#)
- [周志明](#)
- [李钊](#)
- [刘买利](#)
- [张许](#)