

## 衰减全反射红外光谱用于人乳腺癌组织的研究

于舸1, 吕淑华2, 许家林1, 张存洲1, 张春平1

1 南开大学物理科学学院光子学中心,天津 300071;2 天津医科大学肿瘤医院,天津 300060

收稿日期 2004-5-31 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 通过对32例人乳腺良、恶性肿瘤的衰减全反射红外光谱的对比研究发现,它们之间存在明显而规律的光谱差异,反映了乳腺良、恶性病变组织中,蛋白质、核酸和脂类等生物大分子的构型与构象以及相对含量上的差别.研究表明:傅里叶变换红外光谱可以从分子水平上揭示良、恶性肿瘤的分子结构信息,极有潜力成为一种临床原位诊断肿瘤的新方法.

**关键词** [衰减全反射](#) [傅里叶变换红外光谱](#) [乳腺肿瘤组织](#) [蛋白质二级结构](#) [氢键](#)

分类号

通讯作者 [yuge62@yahoo.com.cn](mailto:yuge62@yahoo.com.cn)

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(266KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“衰减全反射”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [于舸](#)
- [吕淑华](#)
- [许家林](#)
- [张存洲](#)
- [张春平](#)