

学术论文

对含未知基因型个体的家系进行单倍型推断的EM方法

赵红~~朱文圣~~郭建华

东北师范大学应用统计教育部重点实验室,数学与统计学院

中国海洋大学数学系

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 单倍型推断在现代连锁分析和关联分析中起着非常关键的作用.

目前的单倍型推断方法基本上是根据基因型去推断个体的单倍型,
而实际家系中某些个体的基因型经常是有部分缺失或者是完全未知的.

本文给出了当家系中含有部分缺失或者完全缺失基因型个体时的单倍型推断的EM方法,
并且给出了参数估计的标准差,

最后通过模拟研究证实了我们的方法的可行性.

关键词

[单倍型推断](#), [家系](#), [EM算法](#).

分类号

DOI:

通讯作者:

赵红

作者个人主页: [赵红~~朱文圣~~郭建华](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#)(267KB)

▶ [\[HTML全文\]](#)(OKB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“](#)

[单倍型推断, 家系, EM算法.](#)

[”的 相关文章](#)

▶ [本文作者相关文章](#)