



## 学科导航4.0暨统一检索解决方案研讨会

美国发现大量基因可推动癌症形成与扩散

<http://www.fristlight.cn> 2006-09-11

[作者] 毛黎

[单位] 科技日报

[摘要] 科技日报2006年9月9日报道, 美国科学家在对乳腺癌和结肠直肠癌进行基因筛选时意外发现, 可导致这两种全国常见癌症变异的基因竟然多达近200个, 其中的许多基因, 人们以前从未怀疑过它们竟然具有推动癌症的形成和扩散的作用。

[关键词] 基因;癌症形成与扩散;乳腺癌;结肠直肠癌

科技日报2006年9月9日报道, 美国科学家在对乳腺癌和结肠直肠癌进行基因筛选时意外发现, 可导致这两种全国常见癌症变异的基因竟然多达近200个, 其中的许多基因, 人们以前从未怀疑过它们竟然具有推动癌症的形成和扩散的作用。寻找到带有“恶性”的基因能帮助人们开发出更佳的治疗方式, 甚至找到预防肿瘤的途径。长期以来, 研究人员已经知道部分基因缺陷能够引发癌症, 同时也知道哪些工作不正常的基因能导致恶性肿瘤, 甚至知道某种特殊癌症的现有疗法是否有效。但现在, 研究人员更进一步意识到, 过去在“恶性”基因方面的发现, 其实不过是冰山一角而已。美国约翰斯霍普金斯大学的科学家7日报告说, 他们利用现代癌症基因筛选技术, 对取自病人体内的11种乳腺肿瘤和11种结肠直肠癌的13000个基因进行了分析, 结果竟意外发现, 有189种变异的基因与这两种癌症的形成和扩散有关。科学家曾认为只是少量的基因变异会引起癌症, 因此, 实际发现有如此多的有关基因让他们倍感惊讶。科学家强调指出, 更重要的是, 不同的器官产生的肿瘤具有极大的相异性: 乳腺癌中的基因变异与结肠直肠癌具有本质的区别。现在, 科学家面临的更艰苦的工作就是要准确弄清楚变异基因对诱发癌症的作用, 并了解是否有办法对付它们。美国国家卫生研究所遗传学主任弗朗西斯·柯林斯博士说, 发现大量的致癌变异基因, 也为人们更好地开发乳腺癌和结肠直肠癌药物提供了方向。

[我要入编](#) | [本站介绍](#) | [网站地图](#) | [京ICP证030426号](#) | [公司介绍](#) | [联系方式](#) | [我要投稿](#)

北京雷速科技有限公司 Copyright © 2003-2008 Email: [leisun@fristlight.cn](mailto:leisun@fristlight.cn)

